

14 июня в 9:00 состоялась защита моего исследовательского проекта **«Реконструкция консенсусных аминокислотных последовательностей сапробных групп гидробионтов по маркерному белку COI»** (Научный руководитель: к.т.н., доцент Фролова Людмила Леонидовна) в рамках программы **«Информатика новых материалов»** по треку **«Биоинформатика»** на [цифровых кафедрах КФУ](#) с присвоением квалификации **программиста**.

Во время защиты я продемонстрировал разработанную мной на языке программирования Python **программу автоматизированной реконструкции консенсусных аминокислотных последовательностей** для анализа аминокислотных последовательностей сапробных групп гидробионтов по маркерному белку COI для применения в экологической оценке качества воды водоемов методом биоиндикации.

Исследование в данном направлении проводилось впервые, полученные результаты представляют большой практический интерес – предлагаемый инновационный подход на основе современных методов молекулярной генетики и биоинформатики позволит значительно упростить и оптимизировать метод биоиндикации.

**Слайды из презентации проектной работы**

